

Tabell S2: DNA-konsentrasjoner i opprinnelige ekstrakter (Stock-prøver) og i normaliserte ekstrakter (Norm50-prøver) fra ulike HUNT-innsamlingsrunder. Konsentrasjonen ble målt ved to tidspunkter: ved ekstraksjon fra innsamlingsrunden (T1) og senere i forbindelse med denne kvalitetsstudien i 2021–2022 (T2). Målingene var gjennomført ved bruk av spektrofotometri. Gjennomsnitt (std), differanse i gjennomsnitt (%), 95 % konfidensintervall for differansen, p-verdi for forskjellen mellom T1 og T2 er presentert.

Prøveekstrakt	DNA- konsentrasjon ved ekstraksjon (T1) Gj.snitt (std ^a)	DNA- konsentrasjon ved reanalyse 2021-2023 (T2) Gj.snitt (std ^a)	Differanse gj.snitt (%)	95% konf. interval for differansen	P- verdi ^b
HUNT3 Stock EDTA	305 (128)	296 (101)	-8,9 (3)	[-23 , 5,3]	0,22
HUNT3 Norm50 EDTA	59,0 (9,4)	59,8 (11,0)	0,9 (2)	[-0,1 , 1,8]	0,07
HUNT3 Stock Koagel	310 (235)	237 (141)	-73,4 (24)	[-104 , -43,3]	<0,001
HUNT3 Norm50 Koagel ^c	51,6 (10,5)	50,6 (11,3)	-1,0 (2)	[-1,9 , 0,0]	0,05
HUNT4 Stock EDTA	84,2 (28,8)	91,4 (30,7)	7,2 (9)	[6,7 , 7,8]	<0,001
HUNT4 Norm50 EDTA	54,7 (4,8)	58,8 (5,6)	4,1 (8)	[3,7 , 4,4]	<0,001

^a std = standardavvik.

^b p-verdi for differansen mellom T1 og T2 (paret T-test).

^c Antall observasjoner for H3 Norm50 koagel er 62. I de andre gruppene er antallet 96.